計算ホモロジーによるガラスの特徴付け

松江 要*,平田 秋彦†

1 始めに

身の回りには金属や化合物など、様々な物質であふれている.その中でシンプルな構造を持つ物と して結晶があり、これは高校化学でも習うように体心立方格子、面心立方格子、六方最密充填格子な ど、高い対称性と周期性構造を持ち、解析も比較低容易である.対して、このような規則性を持たない 物質も数多くある.このような物質は俗に非晶質構造を持つと言われ、例えばガラス等がそれにあた る(図1参照).その不規則性故、実験においてもその構造は長年謎に包まれていたが、近年解析装置 の技術も発達し、サブナノスケールで局所構造を直接観察できる所まで来ている([5]).本稿では、観 察データやシミュレーションに基づいたモデルに対する非晶質の数理的特徴付けの試みを紹介する. なお、本稿の内容は東北大学原子分子材料科学高等研究機構 (WPI-AIMR) における共同研究 [6] に ついて、数学的な内容と解析手法を補完するものである.

化合物は構成元素が違えば化学的結合による組成も大きく異なる. その違いは対応する化合物モデルの幾何学的構造の違いにも反映されているので,幾何学的特徴付けを行う事で材料の性質を数理的に分類出来る事が期待される.しかし結晶や膜などと違い,非晶質の場合は対称性・滑らかさや曲がり具合など考察すべき指標が明確でない. そこで最も単純な指標と思われる**繋がり具合**を軸に構造の 考察を行う.そのためには,**ホモロジー**が役に立つ.



図 1: 金属ガラス (ジルコニウム・プラチナ) モデル. 一見, 規則性があるようには見えない.

2 パーシステントホモロジー

ホモロジーは図形の**繋がり具合**という大域的な情報を与える.詳しくは [2], [7] を参照せよ. 2000 年頃から**計算ホモロジー**の理論が確立し, CHomP ([1]) を始めとしたホモロジー計算用ソフトウェア

^{*}文科省委託事業 数学協働プログラム, 統計数理研究所 統計思考院, 190-8562, 立川 (東京), kmatsue@ism.ac.jp [†]東北大学原子分子材料科学高等研究機構, 980-8577, 仙台 (宮城), hirata@wpi-aimr.tohoku.ac.jp

も整備される事によってホモロジーの応用が一気に展開された.材料科学に絞っても,合金の相分離 ([4]),ジブロックコポリマーのミクロ相分離([8])の解析などに応用され,物質の構造解析に貢献して いる.

ホモロジーは図形の繋がり具合のみを抽出し, 穴の大きさや位置などの情報は一切含まれない. こ れは図形が内包する構造の特徴付けをする際の強みになり, 弱みにもなる. 今回相手にする化合物は その原子配置が構造や物性を決める1つの鍵となる. 特に, 原子を点あるいは球とみなした時の点 データが解析の対象となるが, ホモロジーそのものは"ただの点の集まり"としての情報しか与えな い. よって, ホモロジーではデータの配置に隠された情報を抽出することは期待できない. そこで, 原 子や点配置などの考察する対象にある種のスケールを入れ, そのスケールを変化させる事によるトポ ロジーの変化を追いかける. この変化を見る事で, 原子配置などの位置の情報や隠されたトポロジカ ルな構造を抽出できる. これが**パーシステントホモロジー**の考え方である ([2]).

金属物質の構造モデルを組み立てるとき, 原子をある決められた半径を持つ閉球と見立てるのが一般的である. それを想定し次のような設定を行う. $S \subset \mathbb{R}^3$ を有限点集合とし, $S_{\alpha} := \{B_{\xi}(r_{\xi}(\alpha))\}_{\xi \in S}$ を中心 $\xi \in S$, 半径 $r_{\xi}(\alpha)$ の閉球からなる集合の $\alpha (\in \mathbb{R}_{\geq 0})$ -パラメータ族とする. ただし $r_{\xi}(\alpha)$ は α の単調増加関数とする. この時, α を増加させる事で S_{α} の位相的構造が変化していく. この変化をたどりやすく, また計算機などで扱いやすくするために以下の概念を導入する.

定義 2.1. 集合族 $U = \{U_{\lambda}\}_{\lambda \in \Lambda}$ の脈体を以下で定義する. 単体複体 K_{U} であり, 次の1対1対応により構成する: $p \in \{0, 1, \dots\}$ に対して,

 $\sigma \in K_{\mathcal{U}}$ が *p*-単体 ⇔ 相異なる *p*+1 個の集合族 $\{U_i\}_{i=0}^p \subset \mathcal{U}$ が空でない共通部分を持つ.

集合族に対して単体複体を対応させているが,ホモロジーのレベルでの解析において,脈体を調べることが必要充分である事は以下の定理が保証している:

定理 2.2 (**脈体定理**).集合族 $U = \{U_{\lambda}\}_{\lambda \in \Lambda}$ に対し, 各 U_{α} が閉凸集合であると仮定する. このとき, $\bigcup_{\lambda \in \Lambda} U_{\lambda}$ のホモロジーと U の脈体 K_{U} のホモロジーは同型.

原子に対応する閉球は明らかに閉凸集合なので脈体定理が適用でき、よって単体複体のレベルで考 察すれば充分である事がわかる.

 α を変化させると S_{α} 内の閉球の共通部分が増えていく. 脈体のレベルでは, 単体が加わっていく. そこで次を導入する.

定義 2.3. 単体複体のフィルトレーションを、増大列

 $\mathcal{K} = \{ K^0 \subset K^1 \subset \dots \subset K^n \}$

で、各 K^i $(i = 0, \dots, n-1)$ が K^{i+1} の部分複体になっているものと定義する (図 2-(a)).

単体複体 K に対してその代数的対応, (p 次) **チェイン群** $C_p(K)$ を考える事で K の幾何学的構造 を代数的に考察できる. この上にはバウンダリ写像 $\partial_* : C_p(K) \to C_{p-1}(K), \partial_{p-1} \circ \partial_p \equiv 0,$ が 定義でき,それにより次数加群 (C_*, ∂_*) は**チェイン複体**と呼ばれる物になる. これに対し, (p 次) **サイクル群** $Z_p(K) := \ker \partial_p$ と (p 次) **バウンダリ群** $B_p(K) := \operatorname{Im}\partial_{p+1}$, それらに対する商加群 $H_p(K) = Z_p(K)/B_p(K)$ により K の p 次ホモロジー群が定義できる事を思い出そう. 今,単体複体 のフィルトレーション $K = \{K^j\}_{j=0}^n$ が与えられた時, 各 p に対して自然にチェイン群, サイクル群, バウンダリ群の増大列

> $C_p(K^0) \subset C_p(K^1) \subset \cdots C_p(K^n),$ $Z_p(K^0) \subset Z_p(K^1) \subset \cdots Z_p(K^n),$ $B_p(K^0) \subset B_p(K^1) \subset \cdots B_p(K^n)$

が構成できる.これにより、以下の商加群が定義できる: $p = 0, 1, 2, \cdots$ に対し、

$$H_p^{i,j}(\mathcal{K}) := Z_p(K^i) / (Z_p(K^i) \cap B_p(K^{i+j})).$$

これはスケール*i*にある穴でスケール*i*+*j*においても穴として生き残っているものを測っている. この加群を \mathcal{K} の p 次 (i, j)-パーシステントホモロジー群と呼ぶ. j = 0 の時は, K^i の p 次ホモロジー群 と一致する.

パーシステントホモロジーにより穴がどのスケールで生成され, どのスケールで潰れるかを見る事で, 点配置 S, その中に隠された位相的構造を調べる事が可能になる. ここで重要なのは i, jの情報である. 特に各 $(p \chi)$ ホモロジー類 z に対して, 次のようなスケールが一意に存在する:

$$\begin{split} b_z &:= \inf\{i \mid z \in H^{i,j}_p(\mathcal{K}) \setminus \{0\}\},\\ d_z &:= \sup\{i+j \mid z \in H^{i,j}_p(\mathcal{K}) \setminus \{0\}\}. \end{split}$$

定義 2.4. 各 (p 次) ホモロジー類 z に対して, b_z を z の誕生時刻 (誕生スケール), d_z を z の死亡時刻 (死亡スケール), $r_z := d_z - b_z$ を z の寿命と呼ぶ.

上記の特徴的スケールを可視化する事で、穴の大きさ、点配置の疎密さなどを読み取り、 S_{α} の位相 的構造をそのスケール変化を込めて測る事が出来る。単体複体のフィルトレーション にが与えられ た時、生成される全ての p 次ホモロジー類 z に対して b_z , d_z を求め、スケール変数 α を横軸として、 始点 $\alpha = b_z$ 、終点 $\alpha = d_z$ の線分を各 z に対して上から順に並べる(この並べ方には任意性があるが、 死亡時刻が早いものから順に、上から並べるのがわかりやすい)、この線分の集まりを p 次**バーコー ド**という (図 2-(b)).



図 2: (a) : 単体複体のフィルトレーション *K*. (b) : *K* の 1 次バーコード. (c) : *K* の 1 次パーシ ステンス・ダイアグラム *PD*₁(*K*).

注意 2.5. 特徴的スケールの可視化の方法は以下のものも一般的である。単体複体のフィルトレーション \mathcal{K} が与えられた時, 生成される全ての p 次ホモロジー類 z に対して b_z, d_z を求め, 横軸を誕生時刻, 縦軸を死亡時刻とした 2 次元平面に全ての (b_z, d_z) をプロットする (図 2-(c)). これに対角線 $\{y = x\}$ を加えた物を \mathcal{K} の p 次パーシステンス・ダイアグラム $(PD_p(\mathcal{K}))$ と呼ぶ.

バーコード, PD_p には集合族の摂動に対する**安定性**がある. この性質により, 例えば原子の熱振動 に依らない構造を抽出したり, データの摂動による PD_p の誤差を評価する事が可能となり, 原子配置 に隠された位相的性質を抽出するのに長けている ([2]).

近年では計算機により,与えられた点配置に対応する複体のフィルトレーションのパーシステント ホモロジーを高速計算する事が可能になっている ([9]). その応用の1つとして,たんぱく質の圧縮率 の考察がある ([3]).

注意 2.6. 以下, 金属ガラスに焦点を当て, その構造解析にパーシステントホモロジーを応用する事 を試みるが, 本研究では単体を基本単位とした複体ではなく方体(点,線分,正方形,立方体,...)と 呼ばれる基本単位で構成される方体複体を取り扱う.これは金属を含む化合物の構造を反映する数学 的対象物を扱うことを意識している(注意 3.1 を参照).なお,方体複体も単体複体と同様のホモロ ジー論を展開できる.詳しくは [7] を参照せよ.

3 金属ガラス vs. パーシステンス

パーシステントホモロジーを導入する事で,繋がり具合の観点から様々な材料の幾何学的構造,そ こに隠された物性を原子配置などの点・観測データから直接評価できる事が期待される.本節では金 属ガラスへの適用例を紹介する.

3.1 金属ガラス – その解析の難しさ

金属ガラスはゴルフクラブや腕時計のバンド,半導体のワイヤーなどに広く使われている.金属ガ ラスの研究は1960年代にアメリカのグループによる超急冷法を用いた金とシリコンの合金でガラス 形成が発見された事に端を発し,1990年代に東北大学のグループによって3つ以上の金属を組み合 わせて極めて安定性の高い金属ガラスが作成され,今日に至るまで多くの金属ガラスが開発されてい る.その特徴として,(これが結晶との決定的な違いであり,非晶質と呼ばれる所以だが)試料全体に わたって原子が一見でたらめに並んでいるように見える事が挙げられる.図1を見てもその様子が想 像できるだろう.さらに金属ガラスは原子がぎっしり詰まっているのが特徴だが,実際にその構造を 知るのは難しい.ぎっしり詰まった安定な構造を取る形として,結晶以外に正20面体構造が知られ ており,多くのモデルが提唱されているが,正20面体構造のみで3次元空間を埋め尽くす事が不可 能である矛盾が解消しきれないでいた.

では, 実際にどのような原子配置になっているのか?これまでに X 線, 中性子線回折を用いた数多 くの実験がなされているが, 結晶と違いガラスの原子配置には周期性が無く, **少数の非常にぼやけた** 散乱しか観察できない. そのため構造の議論は, 試料全体 (≈ 10²³ 個の原子) からの平均構造情報に 基づくものしか成されてこなかった.

しかし近年, 平田-陳(東北大 WPI-AIMR) らの透過型電子顕微鏡 (TEM) を用いたオングストロー ムビーム電子回折 (ABED) 法によりガラスの中の原子配置を直接観察できるようになり, それに基 づいたガラスの原子配置モデルを議論できるようになった ([5], 図3も参照). この手法を用いる事で 金属ガラスの局所構造を議論する土壌が整ったわけだが, 原子配置のみから熱揺らぎ等のいわゆる " 小さなノイズ"に依らない本質的な情報をどのように抽出すれば良いだろうか?ここで, パーシステ ントホモロジーの出番である.



図 3: オングストロームビーム電子回折法. 細い電子線を針 (プローブ)のように用いて電子回折パ ターンを観察する (透過型電子顕微鏡 (TEM)). さらにプローブを約4Å まで絞る事で回折に寄与する 原子の数を劇的に減らし、リング状のぼやけた散乱でなく離散的な回折パターンを抽出できる. 10²³ 個程度の原子をまとめて観察していた状況から、数十個単位での原子の観察が実現した ([5]).

3.2 解析手法

パーシステントホモロジーを応用した解析手法の詳細を解説する. 基本的には次のステップで成される:

- 金属ガラスのモデルを形成する.ここでいう "モデル"とは第一原理 MD シミュレーションに基づき,金属ガラスを構成する原子達の配置のある時刻におけるスナップショットを表し、3 次元空間における m 個の原子の位置座標と金属原子に対応する金属結合半径をデータとして有しているものとする.第一原理 MD シミュレーションで得られるモデルは、実際の金属ガラス試料に対して ABED 法を適用し、観測された原子配置と比較が可能である ([6]).今回は2種系化合物のみを扱う.モデル内の元素をA,B,対応する金属結合半径を R_A, R_B とする.多種系においても同様のアイデアを適用できる事に注意する.
- 2. 得られた金属ガラスのモデルに対し、次の手順に従い複体のフィルトレーションを構成する.
 - (a) 3次元空間の有界領域で、金属ガラスモデルを構成する m 個の原子を全て含むものを適当 に取り、それらをあるサイズの立方体でグリッド分割する.
 - (b) 各原子の座標 $\mathbf{x}_i = (x_i, y_i, z_i)$ を中心とした半径 Rの球を作り、それを含む最小の方体の 和集合を中心 \mathbf{x}_i , 半径 Rの球の方体表現とし、 $C_{\mathbf{x}_i}(R)$ とする. 図4参照.
 - (c) 各原子 \mathbf{x}_i には, モデル生成の際に定義された金属結合半径 $R(\mathbf{x}_i)$ が割り当てられている. 元素 A, Bに対応させて, 各 iに対して $R(\mathbf{x}_i) = R_A$ または R_B として定義されている. $R_A < R_B$ としても一般性を失わない. ここで, $\alpha_1 < \alpha_2 < \cdots < \alpha_n$ をある $j \in (1, n)$ に 対して $\alpha_j = 1$ となる数列とし, $\mathcal{K} := \{K_j\}_{j=1}^n \mathcal{E} K_j := \{\bigcup_{i=1}^m C_{\mathbf{x}_i}(\alpha_j R(\mathbf{x}_i))\}$ が生成す る脈体のフィルトレーションとする. 図 5 参照.
- 3. 上記のフィルトレーション んのパーシステントホモロジーを計算する.



図 4: **左図:原子の方体表現**. 中心 $\mathbf{x} = (x, y, z)$ と半径 R を決め, 半径 R の球を含む方体の集まり(灰 色で表現)により原子球の方体表現 $C_{\mathbf{x}}(R)$ を実現する. 右図:方体表現による非常に小さな穴. 方体 を用いたモデルの場合, "球同士の接触"は非常に小さな穴の生成を誘発する. 非常に小さくても, 通 常のホモロジーのレベルでは立派な穴である. しかし, パーシステントホモロジーを考えるとスケー ル変化によりすぐ漬れる事がわかる.



図 5: **金属ガラスモデルにおける半径の変化.** 異なる元素 A, B に対してその半径比 R_A/R_B が常に 一定になるように変化させる. 注意 3.1. (2-c) で述べたフィルトレーション K_j の取り方は, 各 j において異種原子に対して半径比 $\alpha_j R(x_i)/\alpha_j R(x_k)$ ($R(x_i) \neq R(x_k)$) が常に一定になるように設定している. これは化合物の配位数 を変えない事を意識しており, [3] で使用されているアルファ複体(ボロノイ図に基づく複体)とは異 なるものである. アルファ複体で用いているボロノイ図とは, 加法的重み付きべき乗ボロノイ図を指 す. このボロノイ図はそのボロノイ辺を直線にし, この事が単体複体のフィルトレーションの整合性 を実現する. (2-c) のような乗法的重みだとボロノイ辺が曲線になってしまい, 初期スケールの取り方 に依存して全く別のボロノイ図が出来てしまう可能性がある (少なくとも乗法的重み付きボロノイ図 を使ったフィルトレーションが構成できるのかを筆者は知らない).

なお、方体によるモデルの構成は計算機上での実現の意味でも簡単であるが、このやり方では厳密 な意味で**脈体定理が成立しない**.実際、図4が示すように、球の方体表現 $C_x(R)$ は凸集合ではなく、 異なる $C_x(R)$ 同士が繋がる瞬間に非常に小さな隙間が出来る.通常のホモロジーのレベルでは1つ の穴と認識してしまい、中心 x、半径 Rの閉球 $B_x(R)$ たちの和集合として作られる集合のトポロジー と大きく異なる.また、容易に想像できるようにほとんどのトポロジカルな情報はこのような非常に 小さな穴の情報に埋もれてしまう.しかしパーシステントホモロジーを考えると、このような穴は非 常に小さいものと認識される.バーコードでは非常に短い線分、パーシステンス・ダイアグラムでは 対角線に近い点として観察できる事に注意せよ.さらに2節の最後に言及したダイアグラムの**安定性** を使うと、方体によるこれらのフィルトレーションのパーシステンスと、対応する閉球 $B_x(R)$ たちで 構成されるフィルトレーションのパーシステンスが"近い"事を示せる.これにより、我々の解析方法 で得られる結果は(グリッド分割が充分細かいとき)閉球 $B_x(R)$ 達によるパーシステンスの結果を良 く再現しているとみなせる.

前節の終わりに述べたように, 複体のフィルトレーションに対するパーシステントホモロジーの高 速計算を実現するフリーのソフトウェアが Vidit Nanda 氏により開発された ([9]). 今回のホモロジー 計算ではこのソフトウェアを用い, 得られたデータを適当な方法で可視化する. 今回はバーコードの アイデアに基づいた可視化手法を採用する.

3.3 具体的な設定

先の解析手法を金属ガラス Zr₈₀Pt₂₀-200 原子モデルに適用する.今回は局所構造に焦点を当て,モデル内の各原子に対して最近接原子からなるクラスターユニット(実験結果と第一原理 MD により照合されているもの)を抽出し,各々のトポロジカルな構造,特に繋がり具合を支配する0次パーシステンスを観察する.

元素 $A & e^{j} = f^{*}$ (Pt), $B & e^{j} \nu = 1 = 0$ (Zr) とし, 金属結合半径を $R_A = R_{Pt} = 1.387$ Å(オ ングストローム), $R_B = R_{Zr} = 1.6025$ Å で固定する. なお, 1Å= 0.1nm である. 200 原子を含む ℝ³ 内の有界(立方体). 領域を適切に取り, それを一辺 0.05(Å)の立方体グリッドに分割する. そして $\Delta \alpha = 0.05, \alpha_j := 0.7 + j\Delta \alpha \ (j = 0, \dots, 8)$ とする. グリッドの大きさや $\Delta \alpha$ および α の定義は本 質ではない. 次に, 各原子 $\mathbf{x}_i \ (i = 1, \dots, 200)$ に対する最近接原子を取り, クラスターユニット (図 6-(b))を構成する. これは非晶質のボロノイ多面体解析で採用されるユニットであり, 図 6-(a)のよ うにラベル付けされている. 原子 $\mathbf{x}_i \ e = h$ 心とするクラスターユニットに m_i 個の原子が含まれてい るとし, 方体集合 $K_j^i := \bigcup_{k=1}^{m_i} C_{\mathbf{x}_k} (\alpha_j R(\mathbf{x}_k))$ を定義し, 200 個の方体複体(と対応する脈体)のフィ ルトレーション $\mathcal{K}^i = \{K_j^i\}_{i=0}^{8}$ ($i = 1, \dots, 200$)を構成する.



図 6: ボロノイクラスタの分布と模式図. 第一原理 MD シミュレーションにより定まった原子配置は, TEM を用いた ABED 法で直接観察された原子配置と比較できる ([5], [6]). それにより金属ガラスの 局所構造は表 (a) にあるようなラベル付けされたボロノイ多面体の集まりを基準として議論できる. なお, (a) の左は $Zr_{80}Pt_{20}$ -200 原子,右は $Zr_{80}Pt_{20}$ -12,000 原子のモデルから抽出されたクラスタのラ ベルごとの分布を表し, $\langle a \ b \ c \ d \rangle$ は,三角形が a 個,四角形が b 個,五角形が c 個,六角形が d 個を面 に持つ多面体を意味する. 一見ランダムに見える原子配置でも,高々有限個の多面体構造で局所構造 が支配されている事が予想される. (b) は中心原子に対する最近接原子を抽出して構成したボロノイ クラスタの模式図である. "最近接" なものは ABED 法での観察および第一原理 MD シミュレーショ ンの結果に基づいて抽出する.

3.4 解析結果

まず,比較対象として結晶のパーシステンスを見る.とくに体心立方格子,面心立方格子の構造を 考えると簡単にわかるように,その対称性の高さにより球を増大させる過程で一箇所どこかの球が繋 がればあらゆる方向にある球が同時に繋がる.よって,0次ペッチ数は急激に1に変化する.その様 子は図7に記されている.簡単なこれらの格子構造を持つ結晶で試されたい.なお,ここで動径分布 函数を測った時との違いが出ている事に注意せよ.すなわち,動径分布函数は純粋に中心原子からの 距離で原子配置の分布を測るため,体心立方,面心立方格子を明確に区別する.しかし,繋がり具合を 測る0次パーシステンスでは,どちらも一気に b₀が1に落ちるという意味で両者を区別しない.ここ に大まかに物事を見るトポロジーの精神が垣間見える.



図 7: 体心立方格子,面心立方格子(単種系)の b₀ の変化と動径分布函数の比較.0 次パーシステン スの場合は、1 箇所が繋がれば内在する対称性によりあらゆる球が繋がり、あるスケールで b₀ が急激 に1に減少する.これはどちらの格子構造でも同じである.ところで、中心原子からの距離を測ると 体心立方格子をなす格子上の原子は 8 つの第 1 近接原子、6 つの第 2 近接原子を持つ事がわかる.対 して面心立方格子はどの原子も 12 個の最近接原子を持つ.よって各原子から他の原子までの距離の 分布を測る動径分布函数 (RDF) は、体心立方格子の場合 2 つのピーク、面心立方格子の場合は 1 つの ピークを持つ事がわかる.

次に、あるラベル付けがされたボロノイクラスタの0次パーシステンスを計算すると図 &-(a) のよ うな結果を得る. これはスケール変化とともに球が少しずつ繋がっていく事を意味し、とくに結晶の ような対称性を持たず、**クラスタが歪んでおり、第一近接の範囲内で原子配置の不均一性がある**事を 意味する. 最後に、この解析を考えうる全てのクラスタに適用する. それにより図 &-(b) のような結 果を得た. 図 &-(b) は各クラスタの0次パーシステンスのヒストグラムをとったものである. 比較対 象として正 20 面体構造の0次パーシステンスも載せている. 先に述べたように、結晶や正 20 面体な ど対称性の高いものは0次パーシステンスがあるスケール値で急激に変化する. しかし、各クラスタ から得る0次パーシステンスのヒストグラムにこれらの曲線が含まれていない事に注目されたい. さ らに、考察しているクラスタについたラベルは様々な種類がある(図 6-(a)) にもかかわらず、0次パー システンスのヒストグラムは分散が小さく、局在化している事が観察できる.

注意 3.2. 図8は金属ガラスのクラスターユニットモデルに対する0次バーコード(死亡時刻が早い



図 8: 金属ガラス Zr₈₀Pt₂₀ モデル内のクラスタの 0 次パーシステンス. (a): ラベル (0 2 8 1), (0 1 10 2) がついたあるクラスタの 0 次パーシステンス. 結晶の時と違い, b₀ はスケール変化に伴い 緩やかに変化し,対称性の低さを伺わせる. (b): Zr₈₀Pt₂₀ モデル内の全てのクラスタ (200 個)の 0 次パーシステンスのヒストグラム. b₀ の変化は局在しており,結晶や正 20 面体構造を一切含んでお らず, ラベルが違うものも全て類似の歪み方をしている事が示唆される.

図は [6] にも掲載されているのでそちらも参照せよ.

順に上から並べたもの)の包絡線を描き、そのヒストグラムをとったものに他ならない.

ここまでの考察により、以下が帰結される.

- 金属ガラス Zr₈₀Pt₂₀ モデル内には結晶のような対称性の高い構造が最近接原子のレベルでも 含まれておらず、原子達はあらゆる所で歪みを持つ配置を取り、結果として金属ガラスは対称 性が極めて低い局所構造のみによって構成されている。
- 最近接原子からなる各ボロノイクラスタは、0次バーコードの包絡線の局在の意味で類似の歪 み方をしており、それが全体に拡がる事により金属ガラスの準安定的な構造を実現している。

1つめの結果により,3.1節で述べたような安定な構造の取り方に関する矛盾は解決すると期待される.局所的に結晶などの対称性の高い構造を取っている箇所がどこにも無いのは興味深い.2つめの 結果は、クラスタの歪み具合をボロノイ多面体のラベルよりシンプルな指標で特徴付けが出来る事を 示唆する.今後非晶質を分類する際の1つの指標となり得るだろう.

本考察では0次パーシステンス,原子配置の歪みのみに注目して非晶質の構造解析を行った.動径 分布函数と異なり,距離などの詳細な情報とは別の観点から構造の特徴付けが出来る事,よりグロー バルな指標を定義しうる事が示唆される.言うまでもなく,パーシステントホモロジーは各次数に対 して定義されており,現段階で1次(トンネル),2次(空洞)パーシステンスの情報を一切用いて いない事を考慮すると,動径分布函数より遥かに詳細な情報を抽出できることが期待できる(高次 パーシステンスと金属ガラスの構造の対応関係は現在考察中である).さらに,原子達が形成する幾 何学的な構造を予め知る必要がなく,原子の種類と配置のみから種々の情報を抽出できるのもパーシ ステントホモロジーの強みである.数学以外の分野への応用という観点からも,パーシステントホモ ロジーの可能性は計り知れない.

4 結 - "数理材料科学"の萌芽 -

本稿では金属ガラスを例に、これまで明確化されていなかった非晶質の局所構造の特徴付けに、ト ポロジカルな手法が単純かつ明快な特徴付けを与える事を紹介した.それは繋がり具合というごく簡 単な指標で、構造の不必要に細かい分類には立ち入らず、しかし明確な特徴付けの指標を与え得る.

現在,金属ガラス以外にも**力学応答**とホモロジーの関係,粉体の force chain network など,材料科 学へのパーシステントホモロジーの応用が広く展開されている.しかしこれらは全て萌芽段階に過 ぎず,今後の研究次第ではガラスを含めた材料の解析が予想だにしなかった方向へ展開されるかもし れない.例えば結晶構造が群で記述する対称性を用いて説明されてきたように,一見ランダムに見え る非晶質の中に隠された秩序を,パーシステントホモロジーのような新しい数学理論との結びつきに よって説明でき,新たな基礎科学として発展する時代が来るかもしれない.それらがさらに新しい数 学を生み出し,材料科学とより深く結びつく事で,螺旋の如くこの相異なる分野の融合・発展が促さ れていく事を信じて止まない.

冒頭で述べた通り,本稿は東北大学原子分子材料科学高等研究機構(WPI-AIMR)における共同研究[6]に基づくものである.この共同研究の実施にあたり,著者の一人(松江)はJST-CREST "離散 幾何学から提案する新物質創成と物性発現の解明"のの支援を受けている.これらの支援無くして本 研究は成立しなかった.この場を借りて厚く御礼申し上げたい.

参考文献

- [1] CHomP software in Computational Homology Project, http://chomp.rutgers.edu
- [2] H. Edelsbrunner and J.L. Harer, Computational Topology : An Introduction, Amer. Math. Soc., 2010.
- [3] M. Gameiro, Y. Hiraoka, S. Izumi, M. Kramar, K. Mischaikow and V. Nanda, Topological Measurement of Protein Compressibility via Persistence Diagrams, *Kyushu Univ. Inst. Rep.*, 2012.
- [4] M. Gameiro, K. Mischaikow and T. Wanner, Evolution of pattern complexity in the Cahn-Hilliard theory of phase separation, Acta Materiaria, 53(2005), 693-704.
- [5] A. Hirata, P. Guan, T. Fujita, Y. Hirotsu, A. Inoue, A.R. Yavari, Y. Sakurai and M.W. Chen, Direct observation of local atomic order in a metallic glass, *Nature Mater.*, 10(2011), 28–33.
- [6] A. Hirata, L.J. Kang, T. Fujita, B. Klumov, K. Matsue, M. Kotani, A.R. Yavari and M.W. Chen, Geometric frustration of icosahedron in metallic glasses, *Science*, 341(2013), 376–379.
- [7] T. Kaczynski, K. Mischaikow and M. Mrozek, Computational Homology, Springer (2004).
- [8] T. Teramoto and Y. Nishiura, Morphological characterization of the diblock copolymer problem with topological computation, Japan J. Indust. Appl. Math., 27(2010), 175–190.
- [9] Perseus, http://www.math.rutgers.edu/~vidit/perseus.html