

利他主義(altruism)の進化

九大 理学部 松田博嗣

§1. 序

生物進化の過程で、自然選択——あるタイプの遺伝子は他のタイプの遺伝子より子孫を残し易いこと——の累積効果が決定的に重要な役割を演じていることは論を俟たない。

こうした自然選択の結果、どのようにして社会的な行動様式をもつ種々の生物種が現れるに至ったか、またその行動様式の発現は遺伝的状態とどのように関連しているのかは、生物学上極めて重要で興味ある問題であり、近年、社会生物学(sociobiology)の名の下で、活発に研究が行われるようになってきた。

さて、生物個体の社会的行動の基本と考えられるものに、利己主義(egoism)とこれに対する利他主義(altruism)がある。自然選択の結果として、利己的行動様式の存在が比較的自明と考えられるのに対し、どのようにして利他的行

動様式とともに生物種が進化してきたかは、Wilson¹⁾のいうように、社会生物学の中心的理論課題の一つであるといつても過言ではない。

利他主義の進化は、種集団において、その受益者が何等かの意味で授益者の比較的近親であることによると考えられる点では研究者の意見は概ね一致している。Wilson¹⁾によれば、群淘汰(group selection)は、血統集団(lineage group)の2個体以上を単位として働く自然選択であると広く定義され、従って自然選択の単位としてはごく近親のものの集団のみを考える近親淘汰(kin selection)も、単位として親等関係が明らかでないような繁殖個体群を考えるデード間淘汰(interdemic selection)とも含んでおり、このよう広い定義の下では、利他主義の進化は何等かの群淘汰によるものといえよう。しかし、通常群淘汰はデード間淘汰の意味に狭く用いられることが多く、利他主義の進化に対してこの狭い意味での群淘汰を重視する研究者と、近親淘汰を重視する研究者間に烈しい論争が行なわれている。²⁾

しかし、現実において淘汰の単位となるべき群は分散・移住等と伴なう比較的流動的なものであるので、このように淘汰の単位と問題にするべきことながら、むしろ受益

者は受益者のどのような意味での近親であるかを深く追求することに重点をおいた方が、生物種の遺伝的状態との関連性において利他主義進化を窺う上に、より有効適切な接手法ではなかろうか。受益者と受益者の個体間相互作用がどの程度の範囲でどのように行なわれるかは、生態学的な自然観察によって直接知ることが出来るものである。ここにおいて与えられた社会的相互作用を行なう個体間の遺伝的相間と利他主義進化の可能性を関連づけることが理論家に課せられた問題として浮び上がるであろう。そのため、筆者は下記のようなタイプのモデルの研究を提唱したい。

§2. 構造依存選択(structure-dependent selection)の簡単なモデル

個体間に見られる利他的又は利己的な行動様式の差の少くも幾つかは、その遺伝的状態の差によるものである。この差を担う遺伝的自己複製の単位をレプリコン(replicon)と呼び、レプリコンの状態とは簡単のため + (利他的) 状態か、- (利己的) 状態か、何れか 2 種のみとする。自己複製で生じたレプリコンの子の状態は概ね親と同一であるが、時には突然変異によって、他状態の子も生まれることがあるとする。

さて、一般に状態 $\sigma \in \{+, -\}$ のレプリコンは、個体間の社会的相互作用を通じて、他のレプリコン（状態 $\sigma' \in \{+, -\}$ ）と相互作用をすると考え、このとき前者（状態 σ ）の純増殖率（マルサス係数）は $m_{\sigma}^{(\sigma')}$ であるとする。次に状態 σ のレプリコンの中、状態 σ' のレプリコンと相互作用をするものの割合は $P(\sigma'| \sigma)$ 、 $-\sigma'$ と相互作用をするものの割合は、

$$P(-\sigma'| \sigma) = 1 - P(\sigma'| \sigma) \quad (2 \cdot 1)$$

であるとし、結局、状態 σ の（レプリコン当りの）純増殖率は、

$$m_{\sigma} = \sum_{\sigma' \in \{+, -\}} m_{\sigma}^{(\sigma')} P(\sigma'| \sigma) \quad (2 \cdot 2)$$

であるとする。

もし、状態 σ のレプリコンは集団中のどのレプリコンとも均等に相互作用をするならば、 $P(\sigma'| \sigma) = x_{\sigma}$ (x_{σ} は集団中で状態 σ' のレプリコンの頻度) であるが、社会的相互作用は高々個体の移動範囲の程度に限られるので、社会的相互作用をするレプリコン対の状態を調べたとき、先のものが σ 、後のものが $-\sigma$ である確率をパラメタ f (≤ 1) を用いて、

$$P(\sigma, -\sigma) = (1-f)x_{\sigma}x_{-\sigma} \quad (2 \cdot 3)$$

とかくと、

$$P(\sigma, -\sigma) = P(\sigma|-\sigma)x_{-\sigma} = P(-\sigma|\sigma)x_\sigma \quad (2 \cdot 4)$$

と(2・1)より,

$$P(\sigma'| \sigma) = f \delta_{\sigma, \sigma'} + (1-f)x_\sigma, \quad (2 \cdot 5)$$

と書かれます。こつて遺伝的相関 (genetic correlation) と呼ぶことにします。 f は近似的には、集団遺伝学の近縁係数 (coefficient of kinship) に一致します。

次に、 $m_\sigma^{(\sigma')}$ は一般に、 m, a, b, c を定数として、

$$m_\sigma^{(\sigma')} = m + a\sigma + b\sigma' + c\sigma\sigma' \quad (2 \cdot 6)$$

$$(\sigma, \sigma' \in \{+1, -1\} \equiv \{+, -\})$$

と表わされます。状態 $\sigma = +$ が利他的であるとは、状態 + のレプロリコンの利他行動の生ずる

$$(\text{cost}) \equiv m_-^{(\sigma')} - m_+^{(\sigma')} = -2(a + c\sigma') \quad (2 \cdot 7)$$

$$(\text{benefit}) \equiv m_+^{(+)} - m_-^{(+)} = 2(b + c\sigma) \quad (2 \cdot 8)$$

が、 σ, σ' によらず常に正であることと定義します。従って、 $-a \pm c, -b \pm c$ はすべて正でなければなりません。

さて、突然変異を無視したとき、集団中に導入された少數の利他的レプロリコンがその頻度を増し得たための条件は何か？ (2・2), (2・5), (2・6) より直ちに、

$$m_+ - m_- = 2 \{ a + bf + c(1-f)(2x-1) \} \quad (2 \cdot 9)$$

$$(x \equiv x_+)$$

が得られた。 $x \rightarrow 0$ において, $m_+ > m_-$ より

$$f > \frac{-a+c}{b+c} > 0 \quad (2 \cdot 10)$$

となり, これがその必要十分条件となる。言いかえれば, 利他主義が進化し得たための必要十分条件は, 社会的相互作用を行なうレフリコン対の遺伝的相関 f が, $c \geq 0$ のときは, $(\max. \text{cost}) / (\max. \text{benefit})$, $c \leq 0$ のときは, $(\min. \text{cost}) / (\min. \text{benefit})$ より大であることが判った。

従って, 広い意味の群淘汰において, 利他主義の進化に有効な単位となる個体群は, (2・10) をえた了遺伝的相関子の領域内にある個体群と見做すことが出来, 遺伝的相関の概念が利他主義の進化を一般的に記述する上の適切な概念であることを示唆している。

§3. 遺伝的相関子論すための簡単なモデル——絶滅と侵入の格子モデル (extinction-invasion lattice model)

遺伝的相関子は主として個体の移動域と突然変異率に依存する, レフリコン対間距離の関数として捉えられよう。利他的状態の突然変異率は, 利他的行動と遺伝的状態との関

連において重要な量である。こうした遺伝的相関を含め、一般に集団の遺伝的構成の地理的構造を因果論的に追求するためのモデルとして、全集団がいくつかの個体数一定の分集団（デ-4）よりなるとする島モデル（island model）、飛行石モデル（stepping-stone model）や、連続空間でのMalecot のモデルや拡散モデルなど、すでに多くの研究があるが³⁾、自然選択が働く場合を含め、種々の情情况下で包括的にその特質を簡単に論じ得るようなモデルは見当たらない。このため、筆者は下記のようなモデルを導入し、その性質を調べつつある。

M 個の格子点よりなる空間を考え、 i 番目 ($i=1, 2, \dots, M$) の格子点の状態は $\sigma_i \in \{+, -, 0\} = S$ で表わされるとする。状態 $+$, $-$, 0 はそれぞれ格子点に対応する場所が $+$, $-$ 状態のレフリコンで占められておりの場合と、レフリコンを含まない空孔状態（hole）に対応するとする。かくて、各時点での全空間状態は $\sigma = (\sigma_1, \sigma_2, \dots, \sigma_M) \in S^M$ で与えられるが、その時間発展は、絶滅率過程における状態 σ より σ' への推移確率

$$P^{(E)}(\sigma' | \sigma) = \prod_{i=1}^M [\varepsilon_i(\sigma_i | \sigma) \delta_{\sigma'_i, 0} + \{1 - \varepsilon_i(\sigma_i | \sigma)\} \delta_{\sigma'_i, \sigma_i}] \quad (3 \cdot 1)$$

と、侵入素過程による状態 σ' より σ'' への推移確率

$$P^{(I)}(\sigma'' | \sigma') = \prod_{i=1}^M \{ \varrho_i(\sigma''_i | \sigma'_i) \delta_{\sigma''_i, 0} + \delta_{\sigma''_i, \sigma'_i} (\delta_{\sigma''_i, +} + \delta_{\sigma''_i, -}) \} \quad (3 \cdot 2)$$

で規定され、絶滅、侵入の各素過程は交互にくり返し起るものとする。ここに、 $\varrho_i(\sigma_i | \sigma)$ は状態 $\sigma = (\sigma_1, \dots, \sigma_i, \dots, \sigma_M)$ における格子点この絶滅確率で、

$$\varrho_i(0 | \sigma) = 0 \quad (3 \cdot 3)$$

であり、 $\varrho_i(\sigma''_i | \sigma')$ は状態 $\sigma' = (\sigma'_1, \sigma'_2, \dots, \sigma'_i, \dots, \sigma'_M)$ における格子点この状態 $\sigma''_i \in S$ による被侵入確率で、

$$\sum_{\sigma''_i \in S} \varrho_i(\sigma''_i | \sigma') = 1 \quad (3 \cdot 4)$$

である。

このモデルは、現実の生態系の空間が、個体に対して有限の収容能力(carrying capacity)をもつことと、先住者のある種地には移住者は侵入し難い効果を含む点で現実的であるのみならず、確率過程論における近接過程(proximity process)⁴⁾と統計力学における動的イシングモデル(kinetic Ising model)⁵⁾と類似性ともち、特に絶滅確率が十分小さいとして、空孔状態の存在を無視し、突然変異の効果を含めた次のような連続時間版の場合、この定常分布に対する厳密な結果が得られるので、注目に値するモデルと考えられる。

$P(\sigma) = P(\sigma, t)$ を時刻 t で、全空間状態が $\sigma =$

$(\sigma_1, \sigma_2, \dots, \sigma_M)$, $(\sigma_i \in \{+, -\}; i = 1, 2, \dots, M)$ である確率とし、その時間発展は、

$$\frac{dP(\sigma)}{dt} = \sum_{i=1}^M \{ w(\sigma | (\sigma)^i) P((\sigma)^i) - w((\sigma)^i | \sigma) P(\sigma) \} \quad (3 \cdot 5)$$

で与えられるとする。ただし、

$$(\sigma)^i \equiv (\sigma_1, \sigma_2, \dots, \sigma_{i-1}, -\sigma_i, \sigma_{i+1}, \dots, \sigma_M), \quad (3 \cdot 6)$$

$$w(\sigma | (\sigma)^i) \equiv \varepsilon(-\sigma_i) \varrho(\sigma_i | A_i) + \mu_{-\sigma_i}, \quad (3 \cdot 7)$$

$$A_i \equiv (\sigma_{i-1} + \sigma_{i+1})/2 \in \{\pm 1, 0\} \quad (3 \cdot 8)$$

$$(i=1, 2, \dots, M; \sigma_0 \equiv \sigma_M, \sigma_{M+1} \equiv \sigma_1)$$

であって、 $\varepsilon(\sigma_i)$ は格子点 i における単位時間当りの絶滅確率で、その値はそこを含むレフリコン状態 σ_i のみによる精道非依存型であると仮定した。 $\varrho(\sigma_i | A_i)$ は 1 次元格子空間において、格子点 i のレフリコンが絶滅したとき、直ちに両隣りの格子点より侵入を受けたとして、状態 σ_i のレフリコンが侵入する確率で、自然に、

$$\varrho(\sigma_i | \sigma_i) = 1, \quad \varrho(-\sigma_i | \sigma_i) = 0, \quad (3 \cdot 9)$$

$$\varrho(\sigma_i | 0) = 1/2$$

となることにする。 μ_{σ_i} は状態 $-\sigma_i$ より σ_i への単位時間当りの突然変異率である。

4つのパラメタ $\varepsilon(+), \varepsilon(-), \mu_+, \mu_-$ の任意の値の組に対して、(3.5) の定常解を求めることには成功しているが、

$\tilde{\mu}$ を任意の正定数として、

$$\mu_\sigma = \varepsilon(\sigma) \tilde{\mu} \quad (\sigma \in \{+, -\}) \quad (3 \cdot 10)$$

である場合は、(3.5) の定常解 $P^{(c)}(\sigma)$ は適當な温度、外磁場、最近接スピノン相互作用下の強磁性的イニシングモデルのカーニカル分布で与えられることが証明され、實際、

$$P^{(c)}(\sigma) \propto \exp \left\{ J \sum_{i=1}^M \sigma_i \sigma_{i+1} + H \sum_{i=1}^M \sigma_i \right\}, \quad (3 \cdot 11)$$

$$\text{ただし, } H \equiv \frac{1}{2} \log \left\{ \varepsilon(-)/\varepsilon(+)\right\} \quad (3 \cdot 12)$$

$$J \equiv \frac{1}{4} \log \left\{ (1+\tilde{\mu})/\tilde{\mu} \right\} \quad (3 \cdot 13)$$

とある。

(2.5) に対応して、

$$\langle \sigma_i \sigma_{i+\ell} \rangle = f(\ell) + \{1 - f(\ell)\} \langle \sigma_i \rangle \langle \sigma_{i+\ell} \rangle \quad (3 \cdot 14)$$

によつて、遺伝的相間 $f(\ell)$ を定義すゝく、($\langle \cdot \rangle$ は $P^{(c)}(\sigma)$ による・の平均値)、 $0 < \tilde{\mu} \ll 1, |\varepsilon(-)/\varepsilon(+)| \ll 1, 1 \ll \ell \ll M$ にて、

$$f(\ell) \sim e^{-\ell/\ell_c} \quad (3 \cdot 15)$$

たゞし、

$$\ell_c = \frac{1}{2\sqrt{H^2 + \tilde{\mu}}} \quad (3 \cdot 16)$$

が得られる。

遺伝的相間距離 ℓ_c がほゞどのようには定まつてゐるかを理解するため、突然変異を無視して状態 $\sigma \in \{+, -\}$ の

レフリコンが 1 コヨリ単位時間後に残る子孫レフリコンの平均数(適応度)を $w(\sigma)$ とすると、 $|\varepsilon(\sigma)| \ll 1$ のとき、

$$w(\sigma_i) \approx 1 - \varepsilon(\sigma_i) + f \varepsilon(\sigma_i) + (1-f) \sum_{\sigma \in \{+, -\}} \varepsilon(\sigma) x_\sigma, \quad (3 \cdot 17)$$

ただし $f = f(i)$ であるので、+ 状態の淘汰有利度は

$$\lambda = \log \left\{ \frac{w(+)}{w(-)} \right\} \approx (1-f)\{\varepsilon(-) - \varepsilon(+)\} \quad (3 \cdot 18)$$

である。かくて、(3・12), (3・18) より、

$$2H \approx \frac{\lambda}{\varepsilon(1-f)} \quad (\varepsilon \equiv \frac{\varepsilon_+ + \varepsilon_-}{2}, \quad \left| \frac{\varepsilon_+ - \varepsilon_-}{\varepsilon} \right| \ll 1) \quad (3 \cdot 19)$$

が得られ、(3・15) も $\ell = 1$ に外挿して、

$$1-f \approx 1/\ell_c \quad (3 \cdot 20)$$

と評価すると、 $\lambda > 0$ として、(3・16), (3・19), (3・20) より、

$$\ell_c \approx \begin{cases} \frac{1}{2} \sqrt{\frac{\varepsilon}{\mu}} & (4\mu \gg \lambda) \\ \sqrt{\frac{\varepsilon}{\lambda}} & (4\mu \ll \lambda) \end{cases} \quad (3 \cdot 21)$$

との結果が得られる。1つのレフリコンの子孫が単位時間ヨリ隣の格子点に移る確率は 2 のオーダーであるので、(3・21) より、 ℓ_c は絶滅確率が大きいオーダーのレフリコン (+ 状態) の子孫が次々と格子点上をランダムウォークアラウンドしたとき、それが絶滅するか、突然変異によって一状態である記憶を失なうまでに動く距離のうち短い方のオーダー

タであることを示している。

このような定性的結果は、構造非依存型絶滅確率の場合、しかも一次元格子の特別な場合に得られたものであるが、恐らくもっと一般的に成立つであろう。

今後は、このような簡単なモデルで得られた結果を足掛りにして、より現実的なモデルの性質と計算機シミュレーション等により解明し、それと生態学的乃至は遺伝学的知見との対応（検討することによって、利他主義等生物個体間相互作用を通じて現れる行動様式の進化の解明に迫りたいと考えている。

文 献

- 1) Wilson, E.O.: *Sociobiology*. Cambridge and London: The Belknap Press of Harvard University Press, 1975.
- 2) Dawkins, R.: *The Selfish Gene*. Oxford: Oxford University Press, 1976.
- 3) Roughgarden, J.: *Theory of Population Genetics and Evolutionary Ecology: An Introduction*. Chapt. 12. New York: Mac-

- millan Pub. Co., 1979.
- 4) Holley, R.A. and Liggett: Ergodic theorems for weakly interacting infinite systems and the voter model. Ann. Probability, (1975) 3, 643-663.
- 5) Kawasaki, K.: Kinetics of Ising Models. In: Phase Transitions and Critical Phenomena (C. Domb and M.S. Green, eds.), Vol. 2, Chapt. 11, London and New York: Academic Press, 1972.